This Page Is Inserted by IFW Operations and is not a part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images may include (but are not limited to):

- BLACK BORDERS
- TEXT CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
- FADED TEXT
- ILLEGIBLE TEXT
- SKEWED/SLANTED IMAGES
- COLORED PHOTOS
- BLACK OR VERY BLACK AND WHITE DARK PHOTOS
- GRAY SCALE DOCUMENTS

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning documents will not correct images, please do not report the images to the Image Problem Mailbox.

THIS PAGE BLANK (USPTO)



19 RÉPUBLIQUE FRANÇAISE

INSTITUT NATIONAL DE LA PROPRIÉTÉ INDUSTRIELLE

PARIS

11 Nº de publicati n :

2 778 527

(à n'utiliser que pour les commandes de reproduction)

21) No d'enr gistrement national :

98 06475

(51) Int Cl6: A 01 H 1/00, C 12 N 15/63

① DEMANDE DE B	REVET D'INVENTION A1						
22 Date de dépôt : 18.05.98. 30 Priorité :	71 Demandeur(s): RHONE POULENC AGRO Société anonyme — FR.						
Date de mise à la disposition du public de la demande : 19.11.99 Bulletin 99/46.	② Inventeur(s):						
Liste des documents cités dans le rapport de recherche préliminaire : Se reporter à la fin du présent fascicule Références à d'autres documents nationaux apparentés :	Titulaire(s):						
	(74) Mandataire(s) :						

MOUVELLE METHODE DE PRODUCTION DE TOCOPHEROLS DANS LES PLANTES ET PLANTES OBTENUES.

(57) La présente invention concerne un procédé de production de tocophérols dans des plantes génétiquement modifiées, caractérisé en ce qu'il consiste à cultiver une plante génétiquement modifiée appropriée pour effectuer la surexpression d'une hydroxyphényl pyruvate dioxygénase (HPPD) dans les chloroplastes des cellules végétales des dites plantes génétiquement modifiées.



Nouvelle méthode de production de tocophérols dans les plantes, et plantes obtenues

La présente invention concerne une nouvelle méthode de production de tocophérols dans les plantes, et les plantes obtenues à forte teneur en tocophérols.

La vitamine E et les tocophérols sont des composants essentiels dans les organismes vivants, en particulier végétaux ou animaux, notamment par leurs propriétés antioxydantes. Ils sont d'ailleurs couramment employés en alimentation humaine ou animale, de même qu'en cosmétique.

Il est aujourd'hui connu que le niveau d'expression de tocophérols, en particulier de vitamine E dans les plantes, peut être modulé et contrôle en contrôlant l'expression d'une enzyme impliquée dans la biosynthèse des tocophérols, la para hydroxyphényl pyruvate dioxygénase, ci-après HPPD (WO 97/27285).

Cette HPPD se trouve dans de nombreux organismes vivants, unicellulaires, en particulier bactériens, ou pluricellulaires, en particulier dans les plantes où elle est exprimée dans le cytoplasme cellulaire pour produire de l'homogentisate à partir de l'acide para hydroxyphényl pyruvique (WO 96/38567). Il a d'ailleurs été constaté que les enzymes de plantes étaient des enzymes cytoplasmiques, ne comprenant pas de séquence de type « peptide de transit » susceptibles de conduire à l'expression d'une protéine mature dans les chloroplastes (Garcia I. & al. (1997) Biochem. J. 325:761-769).

L'HPPD est par ailleurs la cible de nombreux herbicides, et il a été constaté que sa surexpression dans des plantes généticalement modifiées par l'intégration dans le génome desdites plantes de gènes codant pour une HPPD sous le contrôle d'éléments de régulation appropriés pour l'expression de ladite HPPD, permettait d'obtenir une tolérance améliorée aux herbicides inhibiteurs de cette enzyme (WO 96/38567).

Dans les cellules végétales transformées avec les gènes ci-dessus, il va y avoir une activité HPPD supérieure à celle normalement trouvée dans une cellule végétale du même type non transformée. Cette activité supplémentaire va entraîner la production d'une plus grande quantité d'homogentisate dans la cellule. Cet homogentisate a deux devenir possibles dans une cellule végétale. Il peut soit être dégradé dans le cytoplasme, soit être transporté dans le chloroplaste pour être utilisé comme précurseur de molécules indispensables au bon fonctionnement de l'appareil chloroplastique. Toutefois, si cette surproduction d'homogentisate a lieu dans le cytoplasme une grande quantité de cet homogentisate

5

10

15

20

25

supplémentaire sera dégradé via l'homogentisate dioxygénase, limitant fortement la possilité d'augmenter de manière substantielle la quantité de tocophérols et de vitamine E produits dans la plante transformée.

Bien que l'enzyme naturelle soit une enzyme cytoplasmique, on a maintenant trouvé que le fait d'exprimer une HPPD dans les chloroplastes des plantes permettaient d'augmenter substantiellement la teneur en tocophérols et en vitamine E desdites plantes transformées, tant vis à vis des plantes non transformées (HPPD native uniquement) que vis à vis des plantes transformées assurant une surexpression d'HPPD dans le cytoplasme uniquement, décrites dans l'état de la technique (WO 97/27285).

La présente invention concerne donc nouveau procédé de production de tocophérols dans des plantes génétiquement modifiées, lequel procédé consiste à cultiver une plante génétiquement modifiée appropriée pour effectuer la surexpression d'une HPPD dans les chloroplastes des cellules végétales des dites plantes génétiquement modifiées.

L'HPPD sureprmimée dans les chloroplastes selon l'invention peut être de différentes origines, notamment d'origine bactérienne ou de plantes, en particulier de *Pseudomonas sp*, d'*Arabidopsis*, de carotte, de blé, etc. Plusieurs séquences protéiques d'HPPD et les séquences nucléotidiques codant pour lesdites séquences protéiques, les moyens de les isoler sont décrites dans la littérature, notamment dans la demande de brevet WO 96//38567, dont le contenu est incorporé ici par référence. Il peut également s'agir d'HPPD ayant subi au moins une mutation dans leur région C-terminale, telles que décrites dans la demande de brevet FR 97 14264, dont le contenu est incorporé ici par référence.

Sclon un mode préférentiel de réalisation de l'invention, l'HPPD peut être surexprimée dans les chloroplastes par la surexpression dans le cytoplasme d'une protéine de fusion comprenant un peptide de transit lié à l'HPPD à son extrémité N-terminale (peptide de transit/HPPD).

Les peptides de transit utiles selon l'invention et leurs séquences codantes comprennent tous les peptides de transit de précurseurs cytoplasmiques de protéines ou de polypeptides à localisation plastidiale de plantes, préférentiellement chloroplastiques. Il s'agit notamment du peptide de transit de la petite sous unité de la ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxigénase ou de la protéine de liaison chlorophyllienne a/b décrits avec leurs séquences codantes dans le brevets US 5,728,925, dont le contenu est incorporé ici par référence. Il s'agit également du peptide de transit de l'EPSPS de plante décrit dans le brevet

5

10

15

20

25

US 4,940,835, dont le contenu est incorporé ici par référence.

Sclon un mode préférentiel de réalisation de l'invention, le peptide de transit est un peptide de transit multiple constitué par un premier peptide de transit un d'un précurseur cytoplasmique d'une protéine ou d'un polypeptide à localisation plastidiale, une partie de la partie mature N terminale d'une protéine ou d'un polypeptide à localisation plastidiale, puis un deuxième peptide de transit d'un précurseur cytoplasmique d'une protéine ou d'un polypeptide à localisation plastidiale. De manière préférentielle, le premier et deuxième peptide de transit sont différents. Par différent, on entend selon l'invention des peptides de transit provenant de précurseurs cytoplasmiques de protéines ou polypeptides à localisation plastidiale différents, ou des peptides de transit provenant de mêmes précurseurs de protéines ou polypeptides, mais de plantes différentes. Les peptides de transit multiples selon l'invention sont notamment décrits dans le brevet US 5,633,448 dont le contenu est incorporé ici par référence. De manière préférentielle, le peptide de transit multiple est le peptide de transit optimisé décrit avec sa séquence codante dans le brevet US 5,633,448, comprenant le peptide de transit de la petite sous unité RuBisCO de tournesol, une séquence de 22 acides aminés de la petite sous unité de la RuBisCO de maïs et le peptide de transit de la petite sous unité de la RuBisCO de maïs. La séquence d'ADN codant pour le peptide de transit optimisé associée à la séquence codant pour une HPPD de Pseudomonas est représentée par l'identificateur de séquence n°1 (SEQ ID NO 1), et notamment décrite dans la demande de brevet WO 96/38567. Les gènes chimères comprenant une telle séquence, les vecteurs de transformation des plantes, les cellules végétales transformées les contenant et les plantes régénérées à partir de ces cellules transformées sont décrits dans la demande de brevet WO 96/38567. Il est entendu que la transformation et la régénération des plantes selon un mode particulier préférentiel dépendra de la plante sélectionnée dans laquelle on souhaite surexprimmer l'HPPD dans les chloroplastes. Il est entendu que les techniques de transformation et de régénération des plantes est maintenant bien connue de l'homme du métier. Ces transformations sont effectuées en particulier par l'introduction de particules accélérées enrobées d'ADN dans les cellules végétales, par l'introduction de l'ADN dans les cellules végétales au moyen d'une agitation du milieu contenant les deux en présence d'aiguilles, par les techniques d'électroporation ou encore au moyen de cellules d'Agrobactérium appropriées. Ces techniques sont notamment décrites dans les brevets et demandes de brevet suivants : US 4,459,355, US 4,536,475, US 5,464,763, US 5,177,010, US

10

15

20

25

5,187,073, EP 267,159, EP 604 662, EP 672 752, US 4,945,050, US 5,036,006, US 5,100,792, US 5,371,014, US 5,478,744, US 5,179,022, US 5,565,346, US 5,484,956, US 5,508,468, US 5,538,877, US 5,554,798, US 5,489,520, US 5,510,318, US 5,204,253, US 5,405,765, EP 270 615. EP 442 174, EP 486 233, EP 486 234, EP 539 563, EP 674 725, WO 91/02071 et WO 95/06128.

Les plantes génétiquement modifiées appropriées pour effectuer une surexpression de l'HPPD dans les chloroplastes sont en particulier décrites dans la demande de brevet WO 96/38567, dont le contenu est incorporé ici par référence.

Selon un autre mode préférentiel de réalisation de l'invention, l'HPPD peut être surexprimée dans les chloroplastes en introduisant dans le génome chloroplastique desdites plantes un gène codant pour une HPPD sous le contrôle d'éléments de régulation fonctionnels dans les chloroplastes. Les techniques d'insertion de gènes dans les chloroplastes, comme les éléments de régulations appropriés à l'expression desdits gènes dans les chloroplastes sont bien connus de l'homme du métier, et notamment décrits dans les brevets et demandes de brevet suivants : US 5,693,507, US 5,451,513 et WO 97/32977.

Selon un mode de réalisation préférentiel de l'invention, les plantes appropriées pour le procédé selon l'invention sont choisies parmi les plantes monocotylédones ou dicotylédones, en particulier potagères ou de grande culture, notamment choisies parmi les tomates, les céréales, les plantes oléagineuses, et plus particulièrement parmi le maïs, le colza, le soja, le tournesol.

Certaines plantes peuvent être modifiées de manière à avoir une teneur en huiles spécifiques différentes de celle trouvées naturellement dans les plantes, de manière à obtenir des plantes à plus haute valeur ajoutée et à modifier leurs qualités nutritionnelles. Il s'agit notamment de produire des maïs à plus forte teneur en huiles, ou encore des tournesols, des sojas ou des colzas enrichis en acides gras essentiels à santé humaine ou animale. Ces plantes à teneur en huiles modifiées peuvent être obtenues par des méthodes conventionnelles de croisement et de sélection, ou encore par introduction dans le génome desdites plantes d'un ou plusieurs gènes hétérologues dont l'expression permet de modifier le contenu en huiles tant qualitatif que quantitatif. De telles plantes transformées sont notamment décrites dans les brevets suivants: US 5,378,758, US 5,434,283, US5,476,524, US 5,545,821, US 5,602,311, US 5,625,130, US 5,638,637, US 5,668,299 ou US 5,710,366. Les gènes codants pour des protéines susceptibles de modifier le contenu en huiles des plantes, et les plantes transformées

5

10

15

20

25

les contenant sont notamment décrits dans les brevets et demandes de brevet suivants : WO 98/06862, WO 98/05758, WO 97/48793, WO 97/16559, JP 9 065 882, WO 97/12047, WO 97/07222, WO 96/31609, WO 96/24674, WO 96/02652, JP 6 090 766, WO 93/11245. WO 91/18985, WO 91/13972, US 5,706,603, US 5,704,160, US 5,689,050, US 5,663,068, US 5.639,790, US 5,614,393, US 5,589,619, US 5,530,186, US 5,512,482, US 5,500,361, US 5,498,544 ou US 5,254,801.

Pour des plantes modifiées de manière à produire des teneurs en huiles à haute valeur ajoutée (tant par la qualité que par la quantité des huiles produites) il est nécessaire de protéger efficacement les huiles produites, en particulier contre leur oxydation qui les rendraient inexploitatbles et/ou leur ferait pedre toute valeur. Il a été ainsi constaté pour certains maïs modifiés de manière à produire de grandes quantités d'huiles, tels que ceux décrits dans le brevet US 5,704,160, un phénomène d'oxydation accéléré desdites huiles et de rancissement, qui rendaient les grains de ces maïs inexploitables, en particulier pour l'alimentation animale. En augmentant la production de tocophérols et de vitamine E dans de telles plantes modifiées, il est possible de protéger lesdites huiles produites contre les phénomènes d'oxydation.

Selon un mode préférentiel de réalisation de l'invention, la plante dans laquelle IHPPD est surexprimée dans les chloroplastes est une plante à teneur en huiles modifiée telle que décrite ci-dessus.

Le gène codant pour une protéine de fusion peptide de transit/HPPD, ou pour l'expression directe d'HPPD dans les chloroplastes peut être introduit dans les dites plantes soit directement en employant les techniques usuelles du génie génétique, notamment décrites ci-dessus, soit par croisement et sélection avec une plante mère comprenant ledit gène.

Dans le cas de plantes modifiées par les techniques de génie génétique de manière à exprimer une ou plusieurs protéines modifiant son contenu en huiles, tant qualitatif que quantitatif, le ou les gènes codant pour lesdites protéines modifiant le contenu en huiles peuvent être introduits dans le génome de ladite plante simultanément avec le gène codant pour une protéine de fusion peptide de transit/HPPD. Selon un mode particulier de réalisation de l'invention, les gènes seront introduits simultanément et associés dans un même vecteur, en particulier un même plasmide, de manière que les gènes soient toujours associés dans le génome de la plante transformée. Dans ce cas, non seulement le gène codant pour la protéine de fusion peptide de transit/HPPD permettra de préserver de l'oxydation les huiles de la plante

5

10

15

20

25

obtenue, et donc sa valeur, mais également du fait de ses propriétés de tolérance à certains herbicides décrites dans la demande de brevet WO 96/38567, il facilitera la sélection des plantes à haute valeur ajoutée dans les programmes de sélection des semenciers.

Après culture des dites plantes génétiquement modifiées de manière à surexprimer HPPD dans les chloroplastes, les tocophérols et la vitamine E peuvent être extraits et purifiés, totalement ou en partie, selon les méthodes usuelles, tant des feuilles que des graines des plantes cultivées. Dans le cas des plantes modifiées de manière à modifier leur teneur en huiles, les tocophérols et la vitamine E peuvent être extraits simultanément avec les huiles des dites plantes cultivées, assurant simultanément la préservation des dites huiles contre les phénomènes d'oxydation et l'enrichissement des dites huiles avec des molécules à hautes valeur ajoutée essentielles à la santé animale et humaine, et à leur alimentation.

Selon un mode de réalisation de l'invention, les plantes cultivées ou leurs graines peuvent être employées telles quelles, sans extraction préalable de la vitamine E et des tocophérols comme élément alimentaire, seul ou en mélange destiné à l'alimentation humaine ou animale.

Les exemples ci-après permettent d'illustrer l'invention, sans toutefois en limiter la portée.

Exemple 1 : Teneur en vitamine E de tabacs modifiés

Les tabacs modifiés CY et CO décrits dans les exemples 2 à 5 de la demande de brevet WO 96/38567 ont été cultivés. La teneur en vitamine E dans les feuilles des tabacs cultivés est mesurée après extraction de la vitamine E. Les analyses montrent une teneur en vitamine supérieure pour le tabac CO avec localisation de l'HPPD dans les chloroplastes.

L'analyse a été faite de la manière suivante : extraction qualitative non altérante menée à l'aide d'un système de solvant type hexane :isopropanol 3 :2 (v/v), mais d'autres mélange sont utilisables. Puis dosage des tocophérols par CLHP selon divers protocoles comme entre autre celui référencé IUPAC 2.432.

Exemple 2 : Teneur en vitamine E d'un soja modifié

Des tissus soja, variété Jack et variété Chapman ont été transformés comme suit : Les tissus de soja sont transformés par la technique de bombardement de particules (Finer et Mc Mullen, 1991, In vitro Cell. Dev. Biol. 27P: 175-182.).

La régénération du soja est obtenue selon le protocole décrit par Finer et Mc Mullen,

9

5

10

15

20

25

1991. Des suspensions embryogènes sont initiées à partir de cotylédons zygotiques immatures; ces suspensions sont rendues compétentes à la transformation par repiquages successifs sur un milieu contenant du 2,4 D. Les tissus de soja sont alors transformés par la technique de bombardement de particules. La sélection des tissus se fait sur un milieu contenant l'hygromycine comme agent de sélection à la dose de 30 ppm. La régénération des cals embryogènes en plantes fertiles est obtenue par une conversion des cals en embryons par retrait du 2,4 D. Ces embryons sont ensuite enracinés et mis à germer sur un milieu approprié. Les jeunes plantes sont transférées en serre.

Nous avons obtenu selon ce procédé des sojas Jack et Chapman. Ils comprenent un gène codant pour une protéine de fusion OTP/HPPD, décrite par l'identificateur de séquence n° 1, sous le contrôle d'éléments de régulation comprenant un promoteur Double histone et de l'activateur de transcription TEV et un terminateur Nos (construit identique à celle introduite dans les tabacs modifiés CO de l'exemple 1 et représenté schématiquement dans la figure suivante).

Représentation schématique du gène de l'OTP/HPPD



Promoteur double histone

Activateur de transcription (TEV)

Peptide de transit optimisé

Région codante de l'HPPD

Terminateur nos

Ces sojas modifiés, avec une forte activité HPPD dans les plastes, ont montré une tolérance à de très fortes teneurs en isoxaflutole (herbicide inhibiteur d'HPPD). La teneur en vitamine E dans les feuilles et les graines de ces sojas transformés est très nettement supérieure à la teneur en vitamine E des sojas non transformés correspondants.

20

5

10

LISTE DE SEQUENCES

(iii) NOMBRE DE SEQUENCES: 1

(2) INFORMATIONS POUR LA SEQ ID NO: 1:

- (i) CARACTERISTIQUES DE LA SEQUENCE:
 - (A) LONGUEUR: 1449 paires de bases
 - (B) TYPE: nucléotide
 - (C) NOMBRE DE BRINS: double
 - (D) CONFIGURATION: linéaire
- (ii) TYPE DE MOLECULE: ADNC
- (ix) CARACTERISTIQUE:
 - (A) NOM/CLE: OTP
 - (B) EMPLACEMENT:1..372
- (ix) CARACTERISTIQUE:
 - (A) NOM/CLE: HPPD
 - (B) EMPLACEMENT: 373..1446

(xi) DESCRIPTION DE LA SEQUENCE: SEQ ID NO: 1:

ATG Met 1	GCT Ala	TCG Ser	ATC Ile	TCC Ser 5	TCC Ser	TCA Ser	GTC Val	GCG Ala	ACC Thr 10	GTT Val	AGC Ser	CGG Arg	ACC Thr	GCC Ala 15	CCT Pro	48
GCT Ala	CAG Gln	GCC Ala	AAC Asn 20	ATG Met	GTG Val	GCT Ala	CCG Pro	TTC Phe 25	ACC Thr	GGC Gly	CTT Leu	AAG Lys	TCC Ser 30	AAC Asn	GCC Ala	96
GCC Ala	TTC Phe	CCC Pro 35	ACC Thr	ACC Thr	AAG Lys	AAG Lys	GCT Ala 40	AAC Asn	GAC Asp	TTC Phe	TCC Ser	ACC Thr 45	CTT Leu	CCC Pro	AGC Ser	144
AAC Asn	GGT Gly 50	GGA Gly	AGA Arg	GTT Val	CAA Gln	TAT Tyr 55	ATG Met	CAG Gln	GTG Val	TGG Trp	CCG Pro 60	GCC Ala	TAC Tyr	GGC Gly	AAC Asn	192
AAG Lys 65	AAG Lys	TTC Phe	GAG Glu	ACG Thr	CTG Leu 70	TCG Ser	TAC Tyr	CTG Leu	CCG Pro	CCG Pro 75	CTG Leu	TCA Ser	ATG Met	GCG Ala	CCC Pro 80	240
ACC Thr	GTG Val	ATG Met	ATG Met	GCC Ala 85	TCG Ser	TCG Ser	GCC Ala	ACC Thr	GCC Ala 90	GTC Val	GCT Ala	CCG Pro	TTC Phe	CAG Gln 95	GGG Gly	288
CTC Leu	AAG Lys	TCC Ser	ACC Thr 100	GCC Ala	AGC Ser	CTC Leu	CCC Pro	GTC Val 105	GCC Ala	CGC Arg	CGC Arg	TCC Ser	TCC Ser 110	AGA Arg	AGC Ser	336
CTC Leu	GGC Gly	AAC Asn 115	GTC Val	AGC Ser	AAC Asn	GGC Gly	GGA Gly 120	AGG Arg	ATC Ile	CGG Arg	TGC Cys	ATG Met 1	GCA Ala	GAT Asp	CTA Leu	384

BNSDOCID: <FR___2778527A1_I_>

TAC G. Tyr G. 5				10	neu M	et (эту	Phe	Glu 15	ı Ph	e Il	e Gl	u P	he	Ala 20	432
TCG CC Ser Pi	CG ACC	G CCG r Pro	GGT Gly 25	ACC Thr	CTG G Leu G	AG C	ccg Pro	ATC Ile 30	TTC Phe	GAC	G AT u Il	C AI e Me	t G	GC ly	TTC Phe	480
ACC AA Thr Ly	AA GTO	C GCG L Ala 40	ACC Thr	CAC (CGT T Arg S	er L	AG Ys 45	AAC Asn	GTG Val	CA(C CTO	G TA u Ty 5	r Ai	3C rg	CAG Gln	528
GGC GA Gly Gl	55				eu As	50 A	sn (GIU /	Pro	Asn	Ser 65	r Il	e Al	a	Ser	576
TAC TT Tyr Pho	T GCG e Ala 0	GCC Ala	GAA (CAC G His G	GC CC ly Pr 75	CG TO	CG (er 1	GTG Val	TGC Cys	GGC Gly 80	Met	GCC Ala	3 TT a Ph	C e	CGC Arg	624
GTG AAG Val Lys 85	G GAC S Asp	TCG Ser	CAA 1 Gln 1	AAG G Lys A 90	CC TA la Ty	C AZ	AC (CGC Arg	GCC Ala 95	CTG Leu	GAA Glu	CTC Leu	GG GI	у	GCC Ala	672
CAG CCC Gln Pro	ATC Ile		ATT O	AC A	CC GG hr Gl	G CC y Pr	о м	TG (let (GAA Glu	TTG Leu	AAC Asn	CTG Leu	CCC Pro	o A	SCG Na	. 720
ATC AAG Ile Lys	GGC Gly	ATC (Ile (120	GGC G	GC GC	CG CC	G TT D Le 12	u T	AC (CTG Leu	ATC Ile	GAC Asp	CGT Arg 130	TT(C G ∋ G	GC ly	768
GAA GGC Glu Gly	AGC Ser 135	TCG A	ATC T.	AC GA Yr As	C ATO	AS	C T	TC o	STG '	Tyr	CTC Leu 145	GAA Glu	GG7 Gly	G V	TG al	816
GAG CGC Glu Arg 150	AAT Asn	CCG G Pro V	TC G(al G	GT GC ly Al 15	a Gry	CTC	C AZ u Ly	AA G /s V	al]	ATC	GAC Asp	CAC His	CTG Leu	A T	CC hr	864
CAC AAC His Asn 165	GTC '	TAT C Tyr A	GC GC rg G]	. y	C ATG g Met	GT(Val	С ТА . Ту	r T	GG G rp A 75	CC i	AAC Asn	TTC Phe	TAC Tyr	G]	AG Lu 30	912
AAA TTG Lys Leu	TTC I		TC CG he Ar 85	T GAZ	A GCG 1 Ala	CGT Arg	ТА Ту 19	r Pl	TC G he A	AT A	ATC . Ile :	Lys	GGC Gly 195	G# G1	\G .u	960
TAC ACC Tyr Thr	GGC C Gly I 2	CTG AG Leu Tì	CT TC	C AAC	GCC Ala	ATG Met 205	AG' Se:	T G(r A]	CG C	CG G	sp (GGC . Gly 1	ATG Met	AT Il	°C e	1008
CGC ATC Arg Ile	CCG C Pro L 215	TG AA	AC GA	A GAG	TCG Ser 220	TCC Ser	AA(G GG S Gl	SC GO	la G	GG C ly G 25	CAG A	ATC Ile	GA G1	A u	1056

BNSDOCID: <FR___2778527A1_I_>

GAG Glu	TTC Phe 230	CTG Leu	ATG Met	CAG Gln	TTC Phe	AAC Asn 235	GGC Gly	GAA Glu	GGC Gly	ATC Ile	CAG Gln 240	CAC His	GTG Val	GCG Ala	TTC Phe	1104
CTC Leu 245	ACC Thr	GAC Asp	GAC Asp	CTG Leu	GTC Val 250	AAG Lys	ACC Thr	TGG Trp	GAC Asp	GCG Ala 255	TTG Leu	AAG Lys	AAA Lys	ATC Ile	GGC Gly 260	1152
ATG Met	CGC Arg	TTC Phe	ATG Met	ACC Thr 265	GCG Ala	CCG Pro	CCA Pro	GAC Asp	ACT Thr 270	TAT Tyr	TAC Tyr	GAA Glu	ATG Met	CTC Leu 275	GAA Glu	1200
GGC Gly	CGC Arg	CTG Leu	CCT Pro 280	GAC Asp	CAC His	GGC Gly	GAG Glu	CCG Pro 285	GTG Val	GAT Asp	CAA Gln	CTG Leu	CAG Gln 290	GCA Ala	CGC Arg	1248
GGT Gly	ATC Ile	CTG Leu 295	CTG Leu	GAC Asp	GGA Gly	TCT Ser	TCC Ser 300	GTG Val	GAA Glu	GGC Gly	GAC Asp	AAA Lys 305	CGC Arg	CTG Leu	CTG Leu	1296
CTG Leu	CAG Gln 310	ATC Ile	TTC Phe	TCG Ser	GAA Glu	ACC Thr 315	CTG Leu	ATG Met	GGC Gly	CCG Pro	GTG Val 320	TTC Phe	TTC Phe	GAA Glu	TTC Phe	1344
ATC Ile 325	CAG Gln	CGC Arg	AAG Lys	GGC Gly	GAC Asp 330	GAT Asp	GGG Gly	TTT Phe	GGC Gly	GAG Glu 335	GGC Gly	AAC Asn	TTC Phe	AAG Lys	GCG Ala 340	1392
CTG Leu	TTC Phe	GAG Glu	TCC Ser	ATC Ile 345	GAA Glu	CGT Arg	GAC Asp	CAG Gln	GTG Val 350	CGT Arg	CGT Arg	GGT Gly	GTA Val	TTG Leu 355	ACC Thr	1440
GCC Ala	GAT Asp	TAA														1449

REVENDICATIONS

- 1. Procédé de production de tocophérols dans des plantes génétiquement modifiées, caractérisé en ce qu'il consiste à cultiver une plante génétiquement modifiée appropriée pour effectuer la surexpression d'une hydroxyphényl pyruvate dioxygénase (HPPD) dans les chloroplastes des cellules végétales desdites plantes génétiquement modifiées.
- 2. Procédé selon la revendication 1, caractérisé en ce que l'HPPD est surexprimée dans les chloroplastes par la production dans le cytoplasme d'une protéine de fusion comprenant un peptide de transit lié à l'HPPD à son extrémité N-terminale (peptide de transit/HPPD).
- 3. Procédé selon la revendication 2, caractérisé en ce que le peptide de transit comprend un peptide de transit d'un précurseur cytoplasmique d'une protéine ou d'un polypeptide à localisation plastidiale de plantes, préférentiellement chloroplastiques.
- 4. Procédé selon la revendication 3, caractérisé en ce que le peptide de transit comprend le peptide de transit de la petite sous unité de la ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygénase ou de la protéine de liaison chlorophyllienne a/b ou le peptide de transit de l'EPSPS de plante.
- 5. Procédé selon la revendication 2, caractérisé en ce que le peptide de transit est un peptide de transit multiple constitué par un premier peptide de transit d'un précurseur cytoplasmique d'une protéine ou d'un polypeptide à localisation plastidiale, une partie de la partie mature N terminale d'une protéine ou d'un polypeptide à localisation plastidiale, puis un deuxième peptide de transit d'un précurseur cytoplasmique d'une protéine ou d'un polypeptide à localisation plastidiale.
- 6. Procédé selon la revendication 5, caractérisé en ce que le peptide de transit multiple est le peptide de transit optimisé comprenant le peptide de transit de la petite sous-unité de la RuBisCO de tournesol, une séquence de 22 acides aminés de la petite sous unité de la RuBisCO de maïs et le peptide de transit de la petite sous-unité de la RuBisCO de maïs.
- 7. Procédé selon la revendication 6, caractérisé en ce que la protéine de fusion peptide de transit/HPPD a la séquence décrite par l'identificateur de séquence n° 1 (SEQ ID NO 1).
 - 8. Procédé selon l'une des revendications 1 à 7, caractérisé en ce que la plante est

choisie parmi les tomates, les céréales, les plantes oléagineuses, et plus particulièrement parmi le maïs, le colza, le soja, le tournesol.

- 9. Procédé selon l'une des revendications 1 à 8, caractérisé en ce que la plante est une plante à teneur en huile modifiée.
- 10. Procédé selon l'une des revendications 1 à 9, caractérisé en ce que les tocophérols sont extraits et purifiés, totalement ou en partie.
- 11. Procédé selon l'une des revendications 1 à 10, caractérisé en ce que les plantes cultivées ou leurs graines sont employées telles quelles, sans extraction préalable de la vitamine E et des tocophérols comme éléments alimentaires, seuls ou en mélanges destinés à l'alimentation humaine ou animale.

2778527 N° d'enregistrement national

FA 558987

98 06475

RAPPORT DE RECHERCHE **PRELIMINAIRE**

INSTITUT NATIONAL de la PROPRIETE INDUSTRIELLE

établi sur la base des dernières revendications déposées avant le commencement de la recherche

Catégorie	Citation du document avec indication, en des parties pertinentes	cas de besoin,	Revendications concernées de la demande examinée	Domaines techniques recherchés (INT CL ⁸)
Y,D	WO 97 27285 A (UNIV ARIZONA) 31 Jui * abrégé ; revendications 1-17 ; figures 1 * page 4, alinéa 2 * * page 7, alinéa 2 – page 15, alinéa 2 * * page 24, alinéa 1 – page 28, alinéa 2 *	illet 1997 ,2 *	1-11	C 12 N
Y,D	WO 96 38567 A (RHONE POULENC AG SAILLAND ALAIN (FR); ROLLAND ANN 5 décembre 1996 * abrégé; revendications 9-22; exemples * page 1, ligne 1 – page 4, ligne 7 *	1-11		
E	WO 9904021 A (BASF AG) 28 janvier 19: * abrégé; revendications 1-24; figure 4 * * page 5, ligne 4 – ligne 30 * * page 7, ligne 28 – page 10, ligne 14 * * page 13, ligne 13 – page 16, ligne 32 *	1-4,8-11		
Date: 19 F	Février 1999	Examinateur : Oderwald	. Н	
Y : particuliè la même A : pertinent technolo O : divulgatio	CATEGORIE DES DOCUMENTS CITES prement pertinent à lui seul prement pertinent en combinaison avec un autre document de position de la l'encontre d'au moins une revendication ou arrière-plan prique général pon non-écrite t intercalaire	T : théorie ou principe à la E : document de brevet bé	base de l'invention néficiant d'une date ant blié qu'à cette date ou d	qu'à une date